

## CURRICULUM VITAE ET STUDIORUM DI A. MICHELE STANCA

- ⌚ Maturità classica Liceo Ginnasio "P. Colonna", Galatina (LE).
- ⌚ Laurea in Scienze agrarie – Università di Bari.
- ⌚ Visiting scientist, con borsa di studio annuale CNR-NATO, del Plant Breeding Institute (P.B.I.), Cambridge (UK). Con una seconda borsa di studio, frequenta la "Summer School on Cereal Production" presso il Trinity College di Dublino (Irlanda).
- ⌚ Direttore della Sezione di Fiorenzuola d'Arda dell'Istituto sperimentale per la Cerealicoltura (sino al marzo 2006). Responsabile della costruzione della nuova Sede e organizzatore dei moderni laboratori di breeding, fisiologia, alimenti funzionali e malto, fenotipizzazione, tracciabilità e sicurezza, genomica e proteomica.
- ⌚ Direttore del Centro di ricerca per la genomica e la postgenomica animale e vegetale di Fiorenzuola d'Arda (staff di 65 persone) e dell'Unità di ricerca per la genomica e postgenomica di Metaponto - Consiglio per la Ricerca e la sperimentazione in Agricoltura (CRA) (sino al 31 maggio 2009). Il Centro di Fiorenzuola è stato classificato "**ECCELLENTE**" sulla base della valutazione del CRA per il 2008 e 2009
- ⌚ Studia a livello genetico e fisiologico il fenomeno dell'allettamento e gli aspetti qualitativi (malto e alimenti funzionali) dell'orzo e promuove ricerche di genetica, fisiologia e biologia molecolare sull'adattamento delle piante all'ambiente.
- ⌚ Sviluppa programmi di miglioramento genetico convenzionale e molecolare (MAS) e focalizza la selezione sul concetto di **potenzialità produttiva e stabilità della produzione**. Risultati teorici – accumulo di fattori di trascrizione in genotipi superiori - e applicativi - rilascio di varietà moderne di successo – sono stati raggiunti nel recente passato.
- ⌚ Costitutore di varietà di orzo di successo a livello nazionale (nel 2011 il 21% della semente certificata ha origine nel Centro di Fiorenzuola) ed internazionale. **Arda** è stata prima in assoluto tra le varietà di Orzo certificate in Italia negli anni '90. **Cometa** è prima nella lista delle Top Ten , **ALIMINI** e' la nuova varietà con elevata capacità di adattamento ai diversi ambienti pedoclimatici.
- ⌚ Promotore di ricerche di genomica strutturale e funzionale, di proteomica e crop systems biology per l'identificazione e analisi della funzione di geni e proteine coinvolti nella espressione di caratteri di rilevanza agronomica: qualità, resistenza a malattie e resistenza a stress abiotici.
- ⌚ Sviluppa un Piano nazionale di biotecnologie vegetali e coordina a livello nazionale ed internazionale progetti di ricerca di miglioramento genetico, di fisiologia e biotecnologie.
- ⌚ Cura una collezione di mutanti dello sviluppo di orzo e da questa continua a produrre doppi mutanti.
- ⌚ Referee di lavori in riviste tecniche e scientifiche nazionali e internazionali.
- ⌚ Membro della commissione per le Biotecnologie del MiPAF.
- ⌚ Valutatore dei progetti di ricerca di genetica vegetale dell'Accademia delle Scienze del Governo Portoghese.
- ⌚ Revisore di progetti di ricerca nazionali ed internazionali di genetica agraria e membro di comitati di redazione di riviste scientifiche internazionali.
- ⌚ Revisore di progetti MIUR (PRIN).
- ⌚ Presidente e membro di commissioni di concorso per collaboratore tecnico MIPAF, per l'abilitazione alla professione di agronomo, per dottorato, per ricercatore, I° ricercatore, dirigente di ricerca e direttore di Istituto presso il Consiglio Nazionale delle Ricerche e per associated and full professor di università estere.

- ⌚ Organizzatore di convegni internazionali di miglioramento genetico e biologia molecolare.
- ⌚ Invitato da accademie e istituzioni scientifiche nazionali e internazionali e organizzazioni professionali e culturali a tenere relazioni fondamentali in convegni e seminari di Genetica Agraria e Biotecnologie.
- ⌚ Membro della commissione MIPAF per la revisione dei metodi di analisi delle sementi
- ⌚ Membro della scuola di dottorato di "Biologia Vegetale" dell'Università di Parma e dell'Università di Modena e Reggio Emilia.
- ⌚ Invitato dal Governo della Corea del Nord a Pyongyang – nell'ambito di un progetto FAO – come docente di un corso di Plant Breeding, e per organizzare un modello pilota di Seed production.
- ⌚ Nell'ambito degli accordi CNR-Governo della Repubblica dell'Uzbekistan, compie una visita tecnico-scientifica presso l'Istituto di Cerealicoltura Uzbeco e l'Università di Samarcanda per organizzare un programma di miglioramento genetico dei cereali.
- ⌚ Su invito del governo della provincia di Xi'an, Cina, ha tenuto un corso di miglioramento genetico.
- ⌚ E' stato docente presso l'Università di Milano, l'Università Cattolica S. Cuore di Piacenza e l'INAT di Tunisi.
- ⌚ Ha attivato nel 2009 posizioni a t.d. (15) per borsisti, dottorandi, post doc e ricercatori.
- ⌚ Ha partecipato, su invito, a trasmissioni televisive sulle reti pubbliche e private per divulgare e discutere aspetti della genomica e biotecnologie delle piante.
- ⌚ E' stato chiamato dalle Commissioni Parlamentari Agricoltura in audizione per definire le normative di legge sulle biotecnologie vegetali, depositando memoria scritta.
- ⌚ Membro del Gruppo di Lavoro di Area (GLA Plants) FP7-Food, Agriculture & Fisheries and Biotechnology.
- ⌚ Responsabile scientifico della challenge "Healthy Safe and Sufficient Food and Feed" nell'ambito della piattaforma "IT Plants for the Future".
- ⌚ Membro del comitato "European Group on Barley Genetics and Physiology" della European Brewery Convention
- ⌚ Membro dell'International Barley Genetics Committee e del Consorzio Europeo "Barley Genome Network".
- ⌚ Membro del Barley Working Group dell'European Cooperative Programme for Plant Genetic Resources.
- ⌚ Coordinatore del gruppo CRA del Progetto Internazionale VIGNA
- ⌚ Coordinatore del Progetto "Sequenziamento genoma frumenti: Mappa fisica del Cromosoma 5A" nell'ambito dell'International Wheat Genome Sequencing Consortium.
- ⌚ Reviewer del Field Crops Program (FCP) dell'INSTITUT de RECERCA y TECNOLOGIA AGROALIMENTARIA del Governo Spagnolo (marzo 2010)
- ⌚ Invitato come docente di Genetica a tenere lezioni nell'ambito del progetto europeo "EU FP7 AGRISAFE" presso l'Istituto di Ricerca di Martonvasar dell'Accademia delle Scienze – Ungheria (aprile 2010)
- ⌚ Coordinatore(e relatore) di giornate di studio su Darwin presso diverse Istituzioni pubbliche nazionali in occasione del bicentenario della nascita (2009)
- ⌚ Coordinatore dell'International Workshop on Barley Leaf Diseases (2014)
- ⌚ Membro del Comitato dei Garanti per le Scienze Agrarie, Tecnologie Alimentari e Scienze Veterinarie del Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR)

- ⌚ E' stato **Presidente** della Sezione Cereali della European Association of Plant Breeding Research – **EUCARPIA**.
- ⌚ Socio Onorario – e' stato Consigliere, Vicepresidente, Presidente e Past President - della Società Italiana di Genetica Agraria (SIGA).
- ⌚ E' stato **Presidente e Past-President** della Associazione Italiana delle Società Scientifiche Agrarie (**AISSA**).
- ⌚ E' stato membro del Consiglio Direttivo della Federazione Italiana Scienze della Vita(FISV).
- ⌚ Vincitore per meriti scientifici del Premio VRANI 2012 per aver onorato, difeso, valorizzato e divulgato il buon nome del Salento
- ⌚ **Autore** di circa 400 pubblicazioni su riviste scientifiche nazionali e internazionali, libri e capitoli di libri.
- ⌚ Attualmente è Professore a contratto gratuito di "Miglioramento genetico e OGM in agricoltura" presso l'Università di Modena e Reggio Emilia.
- ⌚ Docente dell'Advanced Course on Plant Breeding presso il CIHEAM di Saragoza.
- ⌚ Socio Emerito della Società Italiana di Genetica Agraria
- ⌚ **Presidente Onorario** dell'Associazione Italiana Società Scientifiche Agrarie (**AISSA**)
- ⌚ Membro onorario dell'European Association for Research on Plant Breeding -**EUCARPIA**
- ⌚ Accademico dell'Accademia Nazionale di Agricoltura di Bologna.
- ⌚ Accademico, coordinatore del Comitato "Biologia Agraria", membro del Consiglio Accademico e Segretario degli Atti dell'Accademia dei **Georgofili di Firenze**.
- ⌚ **Presidente** dell'Unione Italiana delle Accademie per le Scienze Applicate allo Sviluppo dell'Agricoltura, alla Sicurezza Alimentare e alla Tutela Ambientale -**UNASA**-.
- ⌚ H – Index Scopus **24**
- ⌚ H - Scholar **29**

“Quanto dichiarato nel presente *curriculum vitae* corrisponde al vero ai sensi degli artt 46 e 47 del D.P.R. 445/2000” .

## PAPERS PUBLISHED FROM 2003

**Stanca A.M.**, I. Romagosa, K. Takeda, T. Lundborg, V. Terzi, L. Cattivelli (2003). Diversity in abiotic stresses tolerances. In: Diversity in barley (*Hordeum vulgare*) (R. von Bothmer, T. van Hintum, H. Knupffer, K. Sato Eds.). Elsevier Science B.V., pp. 179-199.

Toffoli F., A. Gianinetti, A. Cavallero, F. Finocchiaro, **A.M. Stanca** (2003). Effects of pulses of higher temperature on the development of enzyme activity during malting. **Journal of the Institute of Brewing**, 109(4): 337-341.

Grossi M., P. Giuntini, E. Mazzucotelli, C. Crosatti, L. Pistelli, L. De Bellis, A. Alpi, **A.M. Stanca**, L. Cattivelli (2003). Cloning and characterization of barley long chain acyl-CoA oxidase and its possible regulation by glucose. **Physiologia Plantarum**, 117: 22-32.

Terzi V., Ferrari B., F. Finocchiaro, N. Di Fonzo, **A.M. Stanca**, C. Lamacchia, J. Napier, P.R. Shewry, P. Faccioli (2003). TaqMan PCR for detection of genetically modified durum Wheat. **Journal of Cereal Science**, **37(2): 157-163**.  
Classificato tra i 25 lavori più consultati nel periodo gennaio-ottobre 2003.

Dal Bosco C., M. Busconi, C. Govoni, P. Baldi, **A.M. Stanca**, C. Crosatti, R. Bassi, L. Cattivelli (2003). cor gene expression in barley mutants affected in chloroplast development and photosynthetic electron transport. **Plant Physiology**, 131: 793-802.

Mastrangelo A.M., S. Belloni, S. Barilli, B. Ruperti, N. Di Fonzo, **A.M. Stanca**, L. Cattivelli (2003). Isolation of abiotic stress-related genes and post-transcriptional regulation in durum wheat. N.E. Pogna, M. Romanò, E.A. Pogna, G. Galterio (Ed.). In: Proceedings of the 10th International wheat genetics symposium, Paestum 1-6 September 2003. Vol. 1. Istituto sperimentale per la Cerealicoltura, Roma, pp. 384-387.

Terzi V., S. Calzetti, G. Telera, **A.M. Stanca**, N. Di Fonzo, P. Codianni, P. Faccioli (2003). Genetic diversity evaluation among Italian emmer wheat landraces, durum wheat varieties and emmer x durum wheat derived genotypes. N.E. Pogna, M. Romanò, E.A. Pogna, G. Galterio (Ed.). In: Proceedings of the 10th International wheat genetics symposium, Paestum 1-6 September 2003. Vol. 2., Istituto sperimentale per la Cerealicoltura, Roma, pp. 530-532.

**Stanca A.M.**, F. Finocchiaro, A. Gianinetti, B. Ferrari (2003). "Functional bread" for lowering glycemic index in human. N.E. Pogna, M. Romanò, E.A. Pogna, G. Galterio (Ed.). In: Proceedings of the 10th International wheat genetics symposium, Paestum 1-6 September 2003. Vol. 3., Istituto sperimentale per la Cerealicoltura, Roma, pp. 1397-1399.

Delogu G., N. Faccini, R. Alberici, A. Gianinetti, **A.M. Stanca** (2003). Soil-borne viruses of barley seriously affect plant growth and grain yield in a monocropping system. **Cereal Research Communications**, **31: 1-2**.

Terzi V., M. Malnati, M. Barbanera, **A.M. Stanca**, P. Faccioli (2003). Development of analytical systems based on real time PCR for Triticum species-specific detection and quantitation of bread wheat contamination in semolina and pasta. **Journal of Cereal Science**, **38: 87-94**. Classificato tra i migliori 25 lavori più consultati nel periodo aprile 2003-marzo 2004.

Arru L., N. Faccini, C. Govoni, L. Cattivelli, N. Pecchioni, G. Delogu, **A.M. Stanca**, G. Vale' (2003). The PCR-based marker MWG2018 linked to the Rdg2a leaf stripe resistance gene is a useful tool for assessing barley resistance in breeding programs. **Crop Science**, **43: 1036-1042**.  
24

Francia E., A. Tondelli, D. Barabaschi, A. Aprile, L. Cattivelli, F. Rizza, **A.M. Stanca**, B. Toth, G. Galiba, P.M. Hayes, N. Pecchioni (2003). QT loci regulating the accumulation of the COR14b and TMC-AP3 cold induced proteins in barley. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, **A.M. Stanca Eds.**). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 138-140.

Toth B., E. Francia, G. Galiba, F. Rizza, **A.M. Stanca**, J. Sutka, N. Pecchioni, J.W. Snape (2003). Mapping genes affecting flowering time and frost tolerance on chromosome 5B of wheat and development of STS markers from RFLP markers on chromosome 5H of barley. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, **A.M. Stanca Eds.**). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 158-159.

Cattivelli L., C. Crosatti, C. Mare', M. Grossi, A.M. Mastrangelo, E. Mazzucotelli, G. Galiba, **A.M. Stanca** (2003). Genomic approaches to dissect abiotic stress signal transduction in cereals. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics:

Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, A.M. Stanca Eds.). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 167-171.

Rizza F., D. Pagani, D. Enneking, L. Jestin, H. Jaiser, C.H.P. Einfeldt, F. Oeynhausen, **A.M. Stanca**, L. Cattivelli (2003). Evaluation of winter genotypes from the Barley Core Collection (BCC) for frost tolerance in field trials and laboratory experiments. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, A.M. Stanca Eds.). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 223-225.

Rizza F., J. Ghashghaie, F.W. Badeck, C. Lelarge, N. Di Fonzo, L. Cattivelli, R. Alberici, G. Delogu, **A.M. Stanca** (2003). Physiological traits associated with genotypic differences in barley yield under drought. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, A.M. Stanca Eds.). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 226-228.

Dall'Aglio E., N. Faccini, A. Haegi, G. Tacconi, **A.M. Stanca**, G. Vale' (2003). Molecular markers for assisted selection of the barley leaf stripe resistance gene Rdg2a. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, A.M. Stanca Eds.). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 282-283.

Cavallero A., A. Gianinetti, B. Ferrari, F. Finocchiaro, **A.M. Stanca** (2003). Tocols in hull-less and hulled barley: effect of genotype and environment. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, A.M. Stanca Eds.). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 368-370.

Toffoli F., M. Baronchelli, A. Cavallero, A. Gianinetti, G. Delogu, **A.M. Stanca** (2003). A preliminary study to optimize evaluation of malting quality in barley breeding. In: Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium (C. Marè, P. Faccioli, A.M. Stanca Eds.). Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. 399-401.

Mare' C., P. Faccioli, **A.M. Stanca** (2003). Proceedings of the Cereal Section Meeting. From Biodiversity to Genomics: Breeding Strategies for Small Grain Cereal in the Third Millennium. Istituto sperimentale per la Cerealicoltura Sezione di Fiorenzuola d'Arda, pp. I, 481.

Crosatti C., C. Mare', E. Mazzucotelli, S. Belloni, S. Barilli, R. Bassi, J. Dubcovsky, G. Galiba, **A.M. Stanca**, L. Cattivelli (2003). Genetic analysis of the expression of the cold-regulated gene *cor14b*: a way toward the identification of components of the cold response signal transduction in Triticeae. *Canadian Journal of Botany*, 81: 1162-1167.

Terzi V., F. Infascelli, R. Tudisco, G. Russo, **A.M. Stanca**, P. Faccioli (2004). Quantitative detection of *Secale cereale* by real-time PCR amplification. *Food Science and Technology*, 37: 239-246.

Cavallero A., A. Gianinetti, F. Finocchiaro, G. Delogu, **A.M. Stanca** (2004). Tocols in hull-less and hulled barley genotypes grown in contrasting environments. *J. of Cereal Science*, 39(2): 175-180.

Francia E., F. Rizza, L. Cattivelli, **A.M. Stanca**, G. Galiba, B. Tóth, P.M. Hayes, J.S. Skinner, N. Pecchioni (2004). Two loci on chromosome 5H determine low temperature tolerance in a "Nure" (winter) x "Tremois" (spring) barley map. *Theoretical and Applied Genetics*, 108: 670-680.

- Roig C., C. Pozzi, L. Santi, J. Müller, Y. Wang, M.R. Stile, L. Rossini. **A.M. Stanca**, F. Salamini (2004). Genetic of barley Hooded suppression. **Genetics**, 167: 439-448.
- Terzi V., C. Morcia, D. Giovanardi, M.G. D'egidio, **A.M. Stanca**, P. Faccioli (2004). DNA-based analysis for authenticity assessment of monovarietal pasta. **European Food Research and Technology**, 219: 428-431.
- Mare' C., E. Mazzucotelli, C. Crosatti, E. Francia, **A.M. Stanca**, L. Cattivelli (2004). Hv-WRKY38: a new transcription factor involved in cold- and drought-response in barley. **Plant Mol. Biology**, 55: 399-416.
- Rizza F., F.W. Badeck, L. Cattivelli, O. Li Destri, N. Di Fonzo, **A.M. Stanca** (2004). Use of a water stress index to identify barley genotypes adapted to rainfed and irrigated conditions. **Crop Science**, 44: 2127-2137.
- Tóth B., E. Francia, F. Rizza, **A.M. Stanca**, G. Galiba, N. Pecchioni (2004). Development of PCR-based markers of 5H chromosome for assisted selection of frost-tolerant genotypes in barley. **Molecular Breeding**, 14: 265-273.
- Atienza S.G., P. Faccioli, G. Perrotta, G. Dalfino, W. Zschiesche, K. Humbeck, **A.M. Stanca**, L. Cattivelli (2004). Large scale analysis of transcripts abundance in barley subjected to several single and combined abiotic stress conditions. **Plant Science**, 167: 1359-1365.
- Vale' G., G. Tacconi, E. Francia, E. Dall'aglio, C. Govoni, N. Pecchioni, L. Arru, G. Delogu, A. Haegi, A. Porta-Puglia, **A.M. Stanca** (2004). Advances in understanding barley-Pyrenophora graminea interactions. In: A.H. Yahyaoui, L. Brader, A. Tekauz, H. Wallwotk, B. Steffenson (Eds.). Proceedings of the Second International Workshop on barley leaf blights. ICARDA, Aleppo, Syria, pp. 135-150.
- Bulgarelli D., N.C. Collins, G. Tacconi, E. Dall'aglio, R. Bruggeman, A. Kleinhofs, **A.M. Stanca**, G. Vale' (2004). High-resolution genetic mapping of the leaf stripe resistance gene Rdg2a in barley. **Theoretical and Applied Genetics**, 108: 1401-1408.
- Spano G., L. Beneduce, V. Terzi, **A.M. Stanca**, S. Massa (2005). Real-time PCR for the detection of Escherichia coli O157:H7 in dairy and cattle wastewater. **Letters in Applied Microbiology**, 40: 164-171.
- Gianinetti A., F. Toffoli, A. Cavallero, G. Delogu, **A.M. Stanca** (2005). Improving discrimination for malting quality in barley breeding programmes. **Field Crop Research**, 94(2-3): 189-200.
- Mastrangelo A.M., S. Belloni, S. Barilli, B. Ruperti, N. Di Fonzo, **A.M. Stanca**, L. Cattivelli (2005). Low temperature promotes intron retention in two e-cor genes of durum wheat. **Planta**, 221: 705-715.
- Faccioli P., P. Provero, C. Herrman, **A.M. Stanca**, C. Morcia, V. Terzi (2005). From single genes to co-expression networks: extracting knowledge from barley functional genomics. **Plant Molecular Biology**, 58(5): 739-750.
- Galiba G., N. Pecchioni, A. Vágújfalvi, E. Francia, B. Tóth, D. Barabaschi, S. Barilli, C. Crosatti, L. Cattivelli, **A.M. Stanca** (2005). Localization of QTLs and candidate genes involved in the regulation of frost resistance in cereals. In: R. Tuberosa, R.L. Phillips, M. Gale (Eds.): In the wake of the double helix from the green revolution to gene revolution, Avenue Media, Bologna, pp. 253-266.
- Vale' G., N. Pecchioni, D. Bulgarelli, G. Tacconi, E. Dall'Aglio, G. Delogu, **A.M. Stanca** (2005). Genetic bases of barley resistance to the leaf stripe agent *Pyrenophora graminea*. In: R.

- Tuberosa, R.L. Phillips, M. Gale (Eds.): In the wake of the double helix from the green revolution to gene revolution, Avenue Media, Bologna, pp. 267-278.
- Finocchiaro F., A. Cavallero, B. Ferrari, A. Gianinetti, **A.M. Stanca** (2005). Barley for development of functional foods to improve human health in the third millennium. In: *Food Barley: importance, uses and local knowledge* (S. Grando, H. Gomez Macpherson Eds). ICARDA, pp. 145-156.
- Terzi V., A. Gorrini, **A.M. Stanca**, P.R. Shewry, P. Faccioli (2005). DNA-based methods for identification and quantification of small grain cereal mixtures and fingerprinting of varieties. *Journal of Cereal Science*, **41**: 213-220.
- Tondelli A., E. Francia, D. Barabaschi, A. Aprile, J.S. Skinner, E.J. Stockinger, **A.M. Stanca**, N. Pecchioni (2006). Mapping regulatory genes as candidates for cold and drought stress tolerance in barley. *Theor Appl Genet*, **112**: 445-454.
- Svensson J.T., C. Crosatti, C. Campoli, R. Bassi, **A.M. Stanca**, T.J. Close, L. Cattivelli (2006). Transcriptome analysis of cold acclimation in barley Albina and Xantha mutants. *Plant Physiology*, **141**: 257-270.
- Francia E., N. Pecchioni, O. Li Destri Nicosia, G. Paoletta, L. Taibi, V. Franco, M. Odoardi, **A.M. Stanca**, G. Delogu (2006). Dual-purpose barley and oats in a Mediterranean environment. *Field Crop Research*, **99**: 158-166.
- Cervelli E., M. Bianchi, A. Cona, C. Crosatti, **A.M. Stanca**, R. Angelini, R. Federico, P. Mariottini (2006). Barley polyamine oxidase isoform 1 and 2, a peculiar case of gene duplication. *The FEBS Journal*, **273**: 3990-4002..
- Tacconi G., V. Baldassarre, N.C. Collins, D. Bulgarelli, **A.M. Stanca**, G. Valè (2006). Haplotype characterization and markers at the barley Mlo powdery mildew resistance locus as tools for marker-assisted selection. *Genome*, **49**: 864-872.
- Tacconi G., V. Baldassarre, N.C. Collins, D. Bulgarelli, **A.M. Stanca**, G. Vale' (2006). Haplotype characterization and markers at the barley Mlo powdery mildew resistance locus as tools for marker-assisted selection. *Genome*, **49**: 864-872.
- Faccioli P., G.P. Ciceri, P. Provero, **A.M. Stanca**, C. Morcia, V. Terzi (2007). A combined strategy of "in silico" transcriptome analysis and web search engine optimization allows an agile identification of reference genes suitable for normalization in gene expression studies. *Plant Molecular Biology*, **63**: 679-688.
- Gianinetti A., B. Ferrari, P. Frigeri, **A.M. Stanca** (2007). In vivo modelling of b-glucan degradation in contrastino barley (*Hordeum vulgare* L.) genotypes. *Journal of Agricultural and Food Chemistry*. **55**: 3158-3166.
- Barabaschi D., L. Campani, E. Francia, H. Toubia-Rahme, G.P. Vale', A. Gianinetti, G. Delogu, **A.M. Stanca**, N. Pecchioni (2007). Haplotype structure around the nud locus in barley and its association with resistance to leaf stripe (*Pyrenophora graminea*). *Plant Breeding*, **125**: 24-29.
- Francia E., D. Barabaschi, A. Tondelli, G. Laido', F. Rizza, **A.M. Stanca**, M. Busconi, C. Fogher, E.J. Stockinger, N. Pecchioni (2007). Fine mapping of a HvCBF gene cluster at the frost resistance locus Fr-H2 in barley. *Theoretical Applied Genetics*
- Comadran J., J.R. Russell, F.Á. Van Eeuwijk, S. Ceccarelli, S. Grando, M. Baum, **A.M. Stanca**, E. Francia, N. Secchioni, T. Akar, A. Al-Yassin, A. Benbelkacem, Q. Choumane, H. Ouabbou, D. Rachid, J. Bort, J.-L. Araus, A. Pswarayi, I. Romagosa, C.A. Hackett, W.T.B. Thomas

(2007). Mapping adaptation of barley to droughted environments. *Euphytica*,

Crosatti C., D. Pagani, L. Cattivelli, **A.M. Stanca**, F. Rizza (2008). Effects of growth stage and hardening conditions on the association between frost resistance and the expression of the cold induced protein COR14b in barley. *Environmental and Experimental Botany*, 62: 93-100.

Cattivelli L., F. Rizza, F. W. Badeck, E. Mazzucotelli, A. Mastrangelo, E. Francia, C. Mare', A. Tondelli, **A.M. Stanca** (2008). Drought tolerance improvement in crop plants: an integrated view from breeding to genomics. *Field Crop Research (Review)*, 105: 1-14.

Cattivelli, L.; Rizza, F.; Badeck, F.; Mazzucotelli, E; Mastrangelo, A. M.; Francia, E.; Marè, C.; Tondelli, A.; **Stanca, A.M.** 2008 Drought tolerance improvement in crop plants: an integrated view from breeding to genomics. *Field Crops Research* 105: 1-2 1-14

Comadran, J.; Russell, J.; Van Eeuwijk, F. A.; Ceccarelli, S.; Grando, S.; Baum, M.; **Stanca, A.M.**; Pecchioni, N.; Mastrangelo, A. M.; Akar, T. Al-Yassin, A.; Benbelkacem, A.; Choumane, W.; Ouabbou, H.; Dahan, R.; Bort, J.; Araus, J. L.; Pswarayi, A.; Romagosa, I.; Hackett, C. A.; Thomas, W. T. B. 2008 Mapping adaptation of barley to droughted environments. *Euphytica* 161: 1-2 35-45

Crosatti, C.; Pagani, D.; Cattivelli, L.; **Stanca, A.M.**; Rizza, F. (2008) Effects of growth stage and hardening conditions on the association between frost resistance and the expression of the cold induced protein COR14b in barley. *Environmental and Experimental Botany* 62 93-100

Faccioli, P.; Ciceri, GP.; Provero, P.; **Stanca, A.M.**; Morcia, C.; Terzi, V. 2008 Transcriptome analysis in the post-genomic era. *Options Méditerranéennes, Série A, Séminaires Méditerranéens* 81: 421-426

Gianinetti, A.; Ferrari, B.; Finocchiaro, F.; Frigeri, P.; **Stanca, A.M.** (2008). A preliminary screening of barleys for differences in beta-glucan-related grain traits. *Options Méditerranéennes. Serie A: Séminaires Méditerranéens, n. 81*. Cereal science and technology for feeding ten billion people: genomics era and beyond. Zaragoza : CIHEAM-IAMZ / IRTA, 2008. Meeting of the Eucarpia Cereal Section, 2006/11/13-17, Lleida (Spain) 81: 337-340

Haegi, A.; Bonardi, V.; Dall'Aglio, E.; Glissant, D.; Tumino, G.; Bulgarelli, D.; Collins, N.C.; Infantino, A.; **Stanca, A.M.**; Delledonne, M.; Valè, G. (2008) Histological and molecular analysis of Rdg2a barley resistance to leaf stripe. *Molecular Plant Pathology* 9: 463-478 [

Mazzucotelli, E; Mastrangelo, A. M.; Crosatti, C.; Guerra, D.; **Stanca, A.M.**; Cattivelli, L. (2008) Abiotic stress response in plants: when post-transcriptional and post-translational regulations control transcription. *Plant Science* 174: 420-431

Akar, T.; Francia, E.; Tondelli, A.; Rizza, F.; **Stanca, AM.**; Pecchioni, N. (2009) Marker assisted characterization of highly frost tolerant barley (*Hordeum vulgare* L.) genotypes. *Plant Breeding* 128: 4 381-386

Campoli, C.; Caffarri, S.; Svensson, J.T.; Bassi, R.; **Stanca, A.M.**; Cattivelli, L.; Crosatti, C. (2009) Parallel pigment and transcriptomic analysis of four barley Albina and Xantha mutants reveals the complex network of the chloroplast-dependent metabolism. *Plant Molecular Biology* 71: 1-2 173-191

Demetriou, K.; Kapazoglou, A.; Tondelli, A.; Francia, E.; **Stanca, A.M.**; Iadenopoulos, K., Tsafaris, A.S. (2009) Epigenetic chromatin modifiers in barley: I. Cloning, mapping and expression analysis of the plant specific HD2 family of histone deacetylases from barley, during seed development and after hormonal treatment. *Physiologia Plantarum* 136: 3 358-368

Faccioli, P.; **Stanca, A.M.**; Morcia, C.; Terzi, V. (2009) From DNA sequence to plant



phenotype: bioinformatics meets crop science. *Current Bioinformatics* 4: 3 173-176

Ferrari, B.; Finocchiaro, F.; **Stanca, A.M.**; Gianinetti, A. 2009 Optimization of air classification for the production of  $\beta$ -glucan-enriched barley flours. *Journal of Cereal Science* 50: 2 152-158

Bulgarelli D, Biselli C, Collins NC, Consonni G, **Stanca AM**, Schulze-Lefert P, Valè G. (2010). The CC-NB-LRR-Type Rdg2a Resistance Gene Confers Immunity to the Seed-Borne Barley Leaf Stripe Pathogen in the Absence of Hypersensitive Cell Death. *PLoS ONE* 2010;5(9): e12599

Cattivelli L., A.M. Mastrangelo, F. Rizza, F. Badeck, E. Mazzucotelli, C. Marè, C. Crosatti, D. Guerra, A. Aprile, **A.M. Stanca** (2010). Integrated aspects from breeding to genomics of the abiotic stress response: the case of drought. In: Ceccarelli S, Grando S, editors. *Proceedings of the 10th International Barley Genetics Symposium*. p 169-179.

Ferrari B., Baronchelli M., **Stanca A.M.**, Gianinetti A. (2010). Constitutive differences between steely and mealy barley samples associated with endosperm modification. *J. Sci. Food Agric.* 90: 2105-2113.

Laidò, G.; Barabaschi, D.; Tondelli, A.; Gianinetti, A.; **Stanca, A.M.**; Li Destri Nicosia, O., Di Fonzo, N.; Francia, E.; Pecchioni, N. (2009) QTL alleles from a winter feed type can improve malting quality in barley. *Plant Breeding* 128: 6 598-605

Terzi, V.; Morcia, C.; Spini, M.; Tudisco, R.; Cutrignelli, M.I.; Infascelli, F.; **Stanca, A.M.**; Faccioli, P. (2010) Identification and validation of reference genes for gene expression studies in water buffalo. *Animal* 4: 6 853-860

Tondelli A., Papaefthimiou D., Ampatzidou H., Francia E., Stanca M.A., Kapazoglou A., Tsaftaris A.S. (2010) Epigenetic chromatin modifiers in barley: IV. The study of barley Polycomb group (PcG) genes during seed development and in response to external ABA, *BMC Plant Biology*, 10:73

Cattivelli L., Ceccarelli S., Romagosa I. and **Stanca A.M.** (2011) Abiotic Stresses in Barley: Problems and Solutions. In *BARLEY: Production, Improvement and Uses*. Steven E. Ullrich Ed. WILEY-BLACKWELL pp 282-306

MORCIA C, SPINI M, MALNATI M, **Stanca A.M.**, TERZI V. (2011). Essential Oils and Their Components For The Control of Phytopathogenic fungi that Affect Plant Health and Agri-Food Quality And Safety. In : "*Natural antimicrobials for Food Safety and Food Quality*", pages 224-241, ISBN 978-1-84593-769-0, Eds. Mahendra Rai and Michael Chikindas, CABI Press, Oxford.

Francia E\*, Tondelli A\*, Rizza F, Badeck FW, Li Destri Nicosia O, Akar T, Grando S, Al-Yassin A, Benbelkacem A, Thomas WTB, van Eeuwijk F, Romagosa I, **Stanca AM**, Pecchioni N (2011) Determinants of barley grain yield in a wide range of Mediterranean environments. *Field Crop Research*, 120: 169–178.

Rizza F, Pagani D, Gut M, Prášil IT, Lago C, Tondelli A, Orrù L, Mazzucotelli E, Francia E, Badeck FW, Crosatti C, Terzi V, Cattivelli L, **Stanca AM** (2011) Diversity in the response to low temperature in representative barley genotypes cultivated in Europe. *Crop Science*, 51: 2759–2779.

Nicola Vitulo; Hana Simková; Giorgio Valle; Alessandro Albiero; Paolo Bagnaresi; Davide Campagna; Luigi Cattivelli; Moreno Colaiacovo; Francesca Dal Pero; Jaroslav Doležel; Primetta Faccioli; Paolo Facella; Claudio Forcato; Giulio Gianese; Giovanni Giuliano; Marie Kubaláková; Antonella Lamontanara; Loredana Lopez; Gaetano Perrotta; Marco Pietrella; **Antonio Michele Stanca** (2011) First survey of the wheat chromosome 5A composition through a next generation sequencing approach. *PLoS one* 2011;6(10):e26421.

Barabaschi D, Francia E, Tondelli A, Gianinetti A, **Stanca AM**, Pecchioni N (2012) Effect of the *nud* Gene on Grain Yield in Barley. *Czech J. Genet. Plant Breed.* 48(1): 10–22.

**STANCA A M**, TUMINO G, PAGANI D, RIZZA F., ALBERICI R, LUNDQVIST U, MORCIA C, TONDELLI A, TERZI V. 2012. The “Italian” barley genetics mutant collection: conservation, development of new mutants and use. “*Advance in Barley Sciences*”, p30-35.

Gadaleta A., Giancaspro A., Giove S.L., Zacheo S., Incerti O., Simeone R., Colasuonno P., Nigro D., Valè G., Cattivelli L., **Stanca A.M.**, Blanco A. (2012) Development of a deletion and genetic linkage map for the 5A and 5B chromosomes of wheat (*Triticum aestivum* L.). *Genome*, 55(6): 417-427

Davide Guerra; Gema Lopez-Torrejon; Stephan Marzin; Anna M Mastrangelo; Luigi Cattivelli; Juan Carlos del Pozo; Patrick Schweizer; **Antonio Michele Stanca**; Elisabetta Mazzucotelli (2012) Identification of a protein network interacting with TdRF1, a wheat RING ubiquitin ligase with a protective role against cellular dehydration. *Plant physiology* 2012;158(2):777-89.

MORCIA C., **STANCA A.M.**, TUMINO G., TERZI V. 2012. Genetic traceability as a tool in managing safety and improved quality in feed and food chains. *Agrochimica*, 56, 1-27

MORCIA C., RATTOTTI E., **STANCA A.M.**, TUMINO G., ROSSI V., RAVAGLIA S., GERMEIER C., HERRMANN M., POLISENSKA I., TERZI V. 2013. Fusarium genetic traceability: Role for mycotoxin control in small grain cereals agro-food chains. *Journal of Cereal Science*, 57: 175-182

Francia E, Tondelli A, Rizza F, Badeck FW, Thomas WT, van Eeuwijk F, Romagosa I, **Stanca AM**, Pecchioni N. (2013) Determinants of barley grain yield in drought-prone Mediterranean environments. *ITALIAN JOURNAL OF AGRONOMY*, 8:e1. DOI: 10.4081/ija.2013.e1

Alessandro Tondelli, Enrico Francia, A Visionsi, J Comadran, AM Mastrangelo, T Akar, A Al-Yassin, S Ceccarelli, S Grandò, A Benbelkacem, FA van Eeuwijk, WTB Thomas, **AM Stanca**, I Romagosa, N Pecchioni. 2014 QTLs for barley yield adaptation to Mediterranean environments in the ‘Nure’ × ‘Tremois’ biparental population. **Euphytica** 197, 1, pp73-86

Terzi V., Tumino G., **Stanca A.M.**, Morcia C. 2014. Reducing the incidence of cereal head infection and mycotoxins in small grain cereal species. *Journal of Cereal Science* doi 10.1016/j.jcs.2013.10.005.

**Stanca AM.**, A.Marocco, N.Pecchioni, G.Valè, M.Odoardi, P.Faccioli, L.Catrtivelli, V.Terzi. -2014- *Genetica Vegetale in GENETICA ed S.Pimpinelli Casa Editrice Ambrosiana Milano p 155-221*

Thomas Marcussen, Simen R. Sandve, Lise Heier, Manuel Spannagl, Matthias Pfeifer, **The International Wheat Genome Sequencing Consortium....(AMStanca).....**, Kjetill S. Jakobsen, Brande B. H. Wulff, Burkhard Steuernagel, Klaus F. X. Mayer, and Odd-Arne Olsen 2014 Ancient hybridizations among the ancestral genomes of bread wheat. **Science** 18 July 2014: Vol. 345 no. 6194

KFX Mayer, J Rogers, J Doležal, C Pozniak, K Eversole, C Feuillet, B Gill, **The International Wheat Genome Sequencing Consortium..(AMStanca).....**, 2014. A chromosome-based draft sequence of the hexaploid bread wheat (*Triticum aestivum*) genome. **Science** 345 (6194), 1251788, 2014